

Zadanie 3.15. Wytworzenie materiałów wyjściowych maliny właściwej (czerwonej) dla hodowli innowacyjnych odmian o cechach: bezkolcowość, dwupiętrowość (podwójny zbiór owoców), podwyższona trwałość pozbiorcza owoców, przydatność do kombajnowego zbioru i podwyższona odporność roślin na stres suszy.

Cel zadania: Uzyskanie materiałów wyjściowych maliny właściwej (czerwonej) dla prowadzenia hodowli twórczej maliny, ukierunkowanej na uzyskanie nowych odmian o innowacyjnych cechach, ważnych z użytkowego punktu widzenia, jak: bezkolcowość, dwupiętrowość (podwójny zbiór owoców), podwyższona trwałość pozbiorcza owoców, przydatność do kombajnowego zbioru owoców i podwyższona odporność roślin na stres suszy.

Opis zadania – zakres rzeczowy planowany na 2022 rok:

- 1) wykonanie programu krzyżowań z wykorzystaniem różnych form rodzicielskich o komplementarnych cechach fenotypowych i użytkowych, wolnych od groźnych chorób wirusowych przenoszonych z pyłkiem;
- 2) zbiór owoców, ekstrakcja nasion z owoców, suszenie, pakowanie i umieszczanie nasion w lodówce w celu ich przechowania do następnego roku;
- 3) skaryfikacja, stratyfikacja i wysiew nasion uzyskanych z programu krzyżowań wykonanego w roku 2021;
- 4) produkcja, sadzenie w polowej kwaterze selekcyjnej i pielęgnacja siewek wyprodukowanych z nasion uzyskanych w roku 2021;
- 5) pielęgnacja, ocena i selekcja pozytywna w obrębie populacji siewek posadzonych w kwaterze selekcyjnej w 2021 roku i latach wcześniejszych (oznaczanie pojedynków będących nośnikami pożądanых cech);
- 6) pielęgnacja i szczegółowa ocena (fenotypowa i laboratoryjna) najbardziej wartościowych klonów (roślin i owoców), posadzonych w kolekcji klonów w roku 2021 oraz latach wcześniejszych;
- 7) wyznaczenie i rozmnażanie (tradycyjne i *in vitro*) klonów łączących w najwyższym stopniu pożądane cechy.
- 8) szczegółowa ocena wartości produkcyjnej klonów w hodowlanym doświadczeniu porównawczym, z uwzględnieniem badań laboratoryjnych (analiza składu chemicznego owoców) oraz molekularnych (molekularna weryfikacja tożsamości genetycznej i statusu zdrowotności genotypów pod kątem chorób wirusowych);
- 9) zgłoszenie klonów, łączących w najwyższym stopniu pożądane cechy, do badań rejestrowych COBORU.

Planowane na 2022 r. mierniki dla zadania 3.15.:

1. liczba kombinacji w wykonanym programie krzyżowań: 15
2. liczba wyprodukowanych siewek: 1 200
3. liczba wyselekcjonowanych i rozmnożonych materiałów wyjściowych: 8 klonów
4. zgłoszenie klonu/odmiany do badań rejestrowych COBORU: 1 klon
5. opracowanie metki identyfikacyjnej „DNA-fingerprinting” dla klonu/ odmiany zgłoszonej do badań rejestrowych: 1 metka
6. opracowanie oferty wdrożeniowej dla klonu/odmiany zgłoszonej do badań rejestrowych COBORU: 1 oferta