

**Zadanie 3.16. Wytworzenie materiałów wyjściowych jagody kamczackiej (*Lonicera caerulea*) o zróżnicowanej porze dojrzewania, wysokiej jakości owoców i tolerancji na choroby grzybowe, suszę i poparzenia słoneczne.**

**Cel zadania** Uzyskanie materiałów wyjściowych do hodowli nowych odmian jagody kamczackiej, przydatnych zarówno do przetwórstwa jak i bezpośredniego spożycia.

**Opis zadania – zakres rzeczowy planowany na 2023 rok:**

- 1) wykonanie programu krzyżowań w układzie diallelicznym z wykorzystaniem 6 różnych form rodzicielskich jagody kamczackiej (*Lonicera caerulea*) o komplementarnych cechach fenotypowych i użytkowych, zbiór owoców, wybieranie nasion, stratyfikacja i wysiew nasion (dialleliczny układ krzyżowań 6 odmian x 6 kombinacji krzyżowań = 36 kombinacji krzyżowań);
- 2) cytometryczna ocena poziomu ploidalności wszystkich odmian rodzicielskich przewidzianych do wykorzystania do krzyżowań, również w kolejnych latach (32) i liczby chromosomów (6) odmian wykorzystanych w programie hodowlanym w 2023 r.;
- 3) sprawdzanie żywotność pyłku na podstawie wybarwienia ziaren oraz na podstawie kiełkowania na pożywkach (6);
- 4) analiza kiełkowania ziaren pyłku na znamieniu oraz przerastanie łagiewek pyłkowych przez poszczególne elementy słupka (wybrane 12 kombinacji);
- 5) molekularna weryfikacja genotypów rodzicielskich jagody kamczackiej i określenie ich stopnia pokrewieństwa– 6 form wykorzystanych w 2023 r. i 4 przewidziane do wykorzystania w kolejnym programie krzyżowań;
- 6) ocena porażenia roślin jagody kamczackiej rosnącej w kolekcji przez patogeny grzybowe i bakteryjne (32);
- 7) ocena zasiedlenia jagody kamczackiej rosnącej w kolekcji przez różne gatunki szkodników.

**Planowane na 2023 r. mierniki dla zadania 3.16.:**

1. liczba kombinacji w wykonanym programie krzyżowań: 36
2. cytometryczna ocena poziomu ploidalności: 32 i liczby chromosomów: 6
3. sprawdzenie żywotności pyłku wykorzystanych odmian: 6
4. analiza kiełkowania ziaren pyłku dla wybranych kombinacji krzyżowań: 12
5. molekularna weryfikacja genotypów rodzicielskich i określenie ich stopnia pokrewieństwa: 10
6. ocena porażenia roślin przez patogeny i szkodniki: 32 odmiany
7. liczba doniesień (ustnych lub posterów) na konferencjach krajowych: 1